

Homgen® Cancer RNAfusion200 Panel

产品介绍

NGS 检测融合可以从 DNA 层和 RNA 层面，DNA 水平检测主要检测内含子区域，由于内含子的序列复杂性，一定程度影响检出能力。NCCN 公布的 NSCLC 临床实践指南已提出**基于 RNA 水平的 NGS 检测**会提高 **ROS1、RET、NTRK、MET 14** 跳突的检出率。对于在广泛组合的检测中未发现驱动基因的患者（尤其是非吸烟者）考虑采用 **RNA-based NGS 检测**，以最大程度地发现融合基因突变。

Homgen® Cancer RNAfusion200 Panel 参考 NCCN、FDA、NMPA 等指南，TCGA、COSMIC 等数据库；专门针对肿瘤研究中被报道和临床用药相关的 200 多个融合基因转录本和 1200 个融合断点位点设计探针，基于何因生物自主研发的 DNA 探针体系，研发而成。用于对 RNA 水平的基因融合变异进行检测。DNA 探针，叠瓦式设计，精准捕获指定转录本区域，小数据量获得有效融合基因检测。

产品订购

名称	货号	规格	存贮	货期
Cancer RNAfusion200 Panel (Probe)	P10026-12 / 96	12 rxns	-20°C 2 年	现货
杂交捕获配套试剂-10X 标准洗液版	P10006-12 / 96	12 / 96 rxns	-20°C 2 年	现货
杂交捕获配套试剂-HS 极致洗液版	P10018-12 / 96	12 / 96 rxns	-20°C 2 年	现货
LibCap 杂交捕获配套试剂条版	P10020-12 / 96	12 / 96 rxns	-20°C 2 年	现货

产品使用

NGS Panel 是由**探针池 (Cancer RNAfusion200 Probe)**和 **Homgen 杂交捕获配套试剂**组合而成。

具体实验操作流程请参考何因生物：

《探针杂交捕获操作说明书 10X 标准洗液版 For NGS DNA Library》 /

《探针杂交捕获操作说明书 HS / HE 版 For NGS DNA Library》 /

《LibCap 自动化文库工作站-杂交捕获说明书》。

产品名称	使用量	不同杂交文库总量对应 POST-PCR 推荐循环数			
		RNA 文库	1~2 杂 或 500ng~1μg	3~4 杂 或 1.5~2μg	5~8 杂 或 2.5~4μg
Cancer RNAFusion200 Probe	2 μL / rxns	去除 rRNA	8	7	6
	2 μL / rxns	不去 rRNA	11	10	9

* 若需要额外添加区域、分析 BED、RNA 层面检测 Panel 信息，请联系何因生物获取。

Homgen® Cancer RNAfusion66 Panel

产品介绍

Homgen® Cancer RNAfusion66 Panel 参考 NCCN、FDA、NMPA 等指南，TCGA、COSMIC 等数据库，专门针对实体瘤研究和用药相关的 66 个融合基因全转录本、71 个已知融合基因的 1200 个融合断点位点设计探针，基于何因生物自主研发的 DNA 探针体系，研发而成。用于对肺癌、消化道肿瘤等常见实体瘤进行 RNA 水平的基因融合变异进行检测。

性能特点

- 1，针对 RNA 转录本层面设计的 DNA 探针，叠瓦式设计：稳定检出。
- 2，基于相关数据库和已经批准基因的指定转录本设计。精准。
- 3，自有生产杂交捕获体系，和探针验证。捕获效率>85%。小数据量即可获得有效的测序深度。

产品订购

名称	货号	规格	存贮	货期
Cancer RNAfusion66 Panel (Probe)	P10031-12 / 96	12 rxns	-20℃ 2 年	现货
杂交捕获配套试剂-10X 标准洗液版	P10006-12 / 96	12 / 96 rxns	-20℃ 2 年	现货
杂交捕获配套试剂-HS 极致洗液版	P10018-12 / 96	12 / 96 rxns	-20℃ 2 年	现货
LibCap 杂交捕获配套试剂条版	P10020-12 / 96	12 / 96 rxns	-20℃ 2 年	现货

产品使用

NGS Panel 是由**探针池 (Cancer RNAfusion66 Probe)**和 **Homgen 杂交捕获配套试剂**组合而成。

具体实验操作流程请参考何因生物：

《探针杂交捕获操作说明书 10X 标准洗液版 For NGS DNA Library》 /

《探针杂交捕获操作说明书 HS / HE 版 For NGS DNA Library》 /

《LibCap 自动化文库工作站-杂交捕获说明书》。

产品名称	使用量	不同杂交文库总量对应 POST-PCR 推荐循环数			
		RNA 文库	1~2 杂 或 500ng~1μg	3~4 杂 或 1.5~2μg	5~8 杂 或 2.5~4μg
Cancer RNAFusion66 Probe	2 μL / rxns	去除 rRNA	9	8	7
	2 μL / rxns	不去 rRNA	13	12	11

* 若需要额外添加区域、分析 BED、RNA 层面检测 Panel 信息，请联系何因生物获取。

sales@homgen.com

上海何因生物科技有限公司

上海市松江区车阳路 169 号 2 幢 7 层

For Research Use